



Safkan olmak ya da olmamak

Boğaziçi Üniversitesi'nin Türkiye coğrafyasındaki genetik çeşitliliği ele alan araştırmasının ilk aşaması tamamlandı. 20-21 ocakta açıklanacak araştırmanın yankı uyandırması bekleniyor

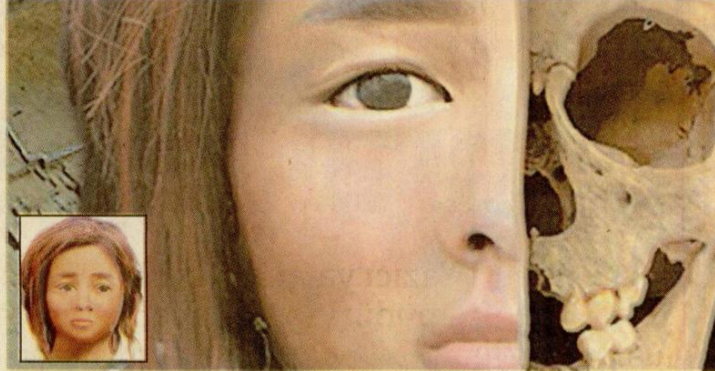
Boğaziçi Üniversitesi, Türkiye coğrafyasında genetik çeşitliliğin yapısı, derecesi ve diğer toplumlarla olan benzerlik ve farklılıkların belirlenmesine bir ilk adım olarak "**Boğaziçi Üniversitesi** Türkiye Genom Araştırması"nın ilk aşamasını tamamladı. Araştırmanın tartışma yaratması beklenen sonuçları 20-21 ocakta gerçekleştirilecek çalıştayda açıklanacak.

Daha önce Standford Üniversitesi ve İsviçre merkezli iGenea şirketinin yaptığı araştırmalarda Avrupa'da yaşayan halklar arasında genetik anlamda en karışık ve en az safkan olan topluluğun Türkiye halkı olduğu öne sürülmüştü.

Türkiye'de "safkan Türk" tartışması yaratan araştırma için Avrupa'nın dört bir yanından DNA örnekleri toplayan ve bunlar üzerinde analizler yapan biliminsanları Türkiye'de yaşayan Türkler'in sekiz farklı etnik gruba ait genleri taşıdığını belirlemişti. Türklerin taşıdığı genler şöyle açıklanmıştı: Türk, Berberi, Yunan, Alman, Slav, Arap, Yahudi ve Balkan.

Geçen yıl başladı

Boğaziçi Üniversitesi Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü araştırmacılarının



İstanbul Üniversitesi tarafından yürütülen kazılarda İslami tarzda defnedilmiş sekiz yaşlarındaki bir kıza ait mezar bulunmuş ve döneme uygun verilerin değerlendirilmesiyle kızın, 1000 yaşında bir Türk kıza olduğu belirlenmişti.

önderliğinde 2010 yılında başlatılan tüm genom dizileme ve biyoformatik analizlerini içeren araştırmanın ilk aşaması ise Genomik Çağında Kişisel Tanı ve Tedavilere İlk Adım" başlıklı çalıştayda gözler önüne serilecek. **Boğaziçi Üniversitesi** Rektörlüğü ve Moleküler Biyoloji ve Genetik Bölümü tarafından desteklenen proje, Cemalettin Bekpen ve Nesrin Özören liderliğinde pek çok araştırmacının katılımıyla gerçekleştirildi.

DNA'larda milyonlarca farklılık var

Boğaziçi Üniversitesi'nde yapılan açıklamada, Uluslararası İnsan Genom Projesi'nin 2000 yılında tamamlanmasından bu yana yapılan araştırmaların, insan genomları arasındaki çeşitliliği gözler önüne serdiği belirtilirken, Çin, Avrupa ve ABD'deki bilim adamlarının ortaklaşa başlattıkları 1000 Genom Projesi kapsamında dört farklı toplumdaki 185 bireyin genom dizileri belirlenerek bilim

dünyasının kullanımına sunulduğu kaydedildi.

Açıklamada, bu çalışmaların insanların DNA dizileri arasında milyonlarca farklılık bulunduğunu gösterdiği ve bu farklılıkların, insanlar arasındaki saç rengi, boy uzunluğu gibi biyolojik çeşitliliklerin şekillenmesinde olduğu kadar yaygın hastalıkla da ilişkili olduğunun bağımsız çalışmalarla örneklediği bildirildi.

Genetik hastalıklar için önemli kaynak

Bu uluslararası verilerin insanlar arasındaki genomik DNA çeşitliliğinin şaşırtıcı düzeyde olduğunu gösterdiği vurgulanan açıklamada şunlar kaydedildi: "Bir toplumda yaygın olan bir genetik varyasyon çok büyük bir olasılıkla diğer toplumlarda da yaygın olarak bulunacaktır. Nadiren, bazı genetik değişikliklerin (mutasyonların) sadece belli ailelere veya belli coğrafyalara özgün olduğu gözlenmiştir. Çalışmanın bu aşaması Türkiye'de en az dört kuşak yaşamış olan 17 bireyin tüm genom dizilenmesini içermektedir. Proje verileri Türkiye'de yaşayan bireylerde yaygın olan genetik hastalıklar ile ilişkili genetik değişikliklerin belirlenmesi için önemli bir kaynak oluşturacaktır." **TARAF**